

Director/a: FERNANDEZ, Gabriela

Título del Trabajo Final: “Determinación de la variabilidad genética en roedores subterráneos del género *Ctenomys* del noroeste de la provincia de Buenos Aires.”

Tesista: CARNOVALE, Cecilia

Resumen: *Ctenomys* es el género con mayor número de especies entre los roedores subterráneos, y es considerado como uno de los géneros más especiosos entre los mamíferos, con más de 60 especies descriptas. En la provincia de Buenos Aires se ha informado la presencia de tres especies de tuco-tucos: *Ctenomys australis* que se distribuye en la costa atlántica desde Necochea hasta el balneario Pehuén C6; *Ctenomys porteousi*, una especie altamente endémica, ocupando una pequeña extensión de hábitat en el centro-oeste de la provincia de Buenos Aires, con un área total de hábitat que se ha estimado en sólo 509 km²; y *Ctenomys talarum* que habita en el este de Argentina a lo largo de la costa de Buenos Aires, presentando también poblaciones aisladas en el sur, centro-oeste y noroeste de la provincia. Los tuco-tucos se caracterizan por formar poblaciones de tamaño reducido con alta variabilidad genética interpoblacional y baja divergencia intrapoblacional, presentando también varias relaciones sin resolver a nivel taxonómico. En este estudio se realizaron campañas de prospección de poblaciones de ctenómidos en el noroeste de la provincia de Buenos Aires colectando siete individuos en la localidad de Lincoln y uno en la localidad de Cazón. El locus completo del citocromo b (1140 pb) de las muestras obtenidas fue amplificado, secuenciado y analizado junto a secuencias de 36 especies del género *Ctenomys* obtenidas en la base de datos GenBank. Las edades para el género *Ctenomys* y para la especie *Ctenomys talarum* fueron estimadas, a partir del análisis bayesiano, en aproximadamente 10,43 (IC 7,6-13,9) y 0,78 (IC 0,47-1,25) millones de años respectivamente. Los análisis filogenéticos realizados con máxima verosimilitud (ML), neighbor joining (NJ) e inferencia bayesiana, sugieren que las poblaciones de ctenómidos (*Ctenomys sp*) tanto de Lincoln como de Cazón pertenecen a la especie *Ctenomys talarum*. Esta información apoya la hipótesis de asignación de estas poblaciones a dicha especie, planteada por Galliari y colaboradores (1991).

Palabras claves: divergencia, citocromo b, análisis filogenéticos

Año de la defensa: 2014