

Director/a: MERINO, Mariano

Co-Director/a: FERNANDEZ, Gabriela

Título del Trabajo Final: “Variabilidad genética en poblaciones de Sus scrofa domésticos en zonas de influencia de la UNNOBA.”

Tesista: FIGUEROA, Carlos Ezequiel

Resumen: Tanto los jabalíes, como la mayoría de razas domésticas actuales (y sus formas ferales o cimarronas) pertenecen a la especie *Sus scrofa*. En América latina, las primeras poblaciones de cerdos fueron del tipo Ibérico y fueron introducidas por Colón, en su segundo viaje al Nuevo Continente, a partir de entonces su presencia se expandió a todo el continente. En Argentina el primer contacto con estos cerdos ocurrió en Buenos Aires entre los años 1556 y 1558. Estas poblaciones se mantuvieron bajo presión selectiva adaptándose a cada ambiente en particular y posiblemente sufrieron cruzamientos con razas traídas durante el proceso de mestización a partir de 1908. Esto generó un abanico de variedades con diferencias genéticas y morfológicas en todo el continente. Actualmente constituyen un pool génico relacionado a pequeñas explotaciones, poco tecnificadas, las cuales no han sometido a su piara a planes de mejora genética o tienen limitado acceso a la compra de híbridos mejorados. Es a este tipo de cerdo al que nos referimos como criollos o autóctonos. Estudios realizados en diversos países de Latinoamérica ponen de manifiesto que los cerdos criollos están desapareciendo en forma acelerada como consecuencia de la introducción de las razas comerciales modernas. En este sentido, la utilización de marcadores moleculares mitocondriales constituye una herramienta de gran utilidad para la caracterización de la variabilidad genética existente permitiendo la discriminación entre los linajes maternos dentro de las especies y, el análisis de secuencias de sus regiones más variables, puede utilizarse para investigar el origen genético de poblaciones y de razas animales. En este trabajo se analiza la variabilidad genética existente en los plantales de los pequeños productores porcinos del Noroeste de la provincia de Buenos Aires mediante el empleo del marcador molecular citocromo b, con la finalidad de caracterizar dichos plantales y aportar conocimiento sobre la presencia y representatividad de los cerdos criollos y razas domésticas modernas en la región. Los resultados sientan las bases para futuros estudios y planes de conservación de los recursos genéticos porcinos autóctonos de nuestro país.

Palabras claves: marcadores moleculares mitocondriales, conservación, porcinos autóctonos

Año de la defensa: 2014