

Director/a: RIVERA POMAR, Rolando

Co-Director/a: ONS, Sheila

Título del Trabajo Final: “Genómica comparada de la resistencia a insecticidas en triatomíneos.”

Tesista: TRAVERSO, María Lucila

Resumen: La enfermedad de Chagas, causada por el parásito *Trypanosoma cruzi*, se transmite a humanos y a otras especies a través de insectos triatomíneos, pertenecientes al orden *Hemiptera*, suborden *Heteroptera*, familia *Reduviidae* y subfamilia *Triatominae*. En Latinoamérica, la transmisión vectorial de la enfermedad de Chagas está representada por tres especies principales de triatomíneos: *Rhodnius prolixus*, *Triatoma infestans* y *Triatoma dimidiata*, mientras que *Triatoma pallidipennis* es considerado como un importante vector de la enfermedad en México. El control de la Enfermedad de Chagas en Latinoamérica ha sido muy exitoso gracias a iniciativas multinacionales bajo la coordinación de la Organización Mundial de la Salud (OMS) interrumpiéndose la transmisión de la enfermedad por *T. infestans* en países como Uruguay, Chile, Brasil y partes de Paraguay y Argentina. Sin embargo, en la ecoregión del Gran Chaco la enfermedad aún es muy prevalente. Hoy en día, la resistencia a insecticidas podría ser una de las principales causas del fracaso en la eliminación de *T. infestans* en la ecoregión del Gran Chaco, aún en áreas sujetas a un control vectorial intensivo. En el presente trabajo se analiza la presencia de genes asociados a la resistencia a insecticidas en los vectores de la Enfermedad de Chagas mencionados, a través del análisis del transcriptoma de *T. infestans*, *T. dimidiata* y *T. pallidipennis*, y del genoma de *R. prolixus*, lo que contribuirá a la caracterización de la respuesta a insecticidas sentando las bases para futuros estudios funcionales sobre los genes encontrados, información fundamental para diseñar estrategias eficientes de control vectorial.

Palabras claves: Gran Chaco, caracterización, control vectorial

Año de la defensa: 2013