

**Título:** “Análisis transcritoómico de los genes implicados en la supervivencia de *Nezara viridula*, plaga de cultivos agrícolas en Argentina”

**Alumno/a:** PEREZ GIANMARCO, Lucila

**Director/a:** Dra. Sheila Ons

**Codirector/a:** Dra. María Inés Catalano

**Fecha de defensa:** 23/03/2018

## **RESUMEN**

*Nezara viridula* es un hemíptero fitófago, plaga de cultivos agrícolas de importancia a nivel nacional e internacional. Para su control, como complemento o reemplazo de insecticidas neurotóxicos, se plantea el diseño de mecanismos especie-específicos, de manera de disminuir sus consecuencias negativas en el ecosistema y prevenir la aparición de resistencias. Para ello, un primer paso es la obtención de información genética que aporte conocimiento de secuencia de genes involucrados en la supervivencia de este insecto. En este trabajo se propuso obtener un transcriptoma de *N. viridula*, evaluar su cobertura e identificar en el mismo genes involucrados en su supervivencia, como neuropéptidos y genes neurales. Para ello, se hicieron comparaciones de los ensamblajes aquí obtenidos con bases de datos de especies evolutivamente cercanas, buscando ortología. Habiendo obtenido dos ensamblajes, éstos se compararon según el número de perfiles CEG y BUSCO para evaluar su completitud, así como también se contrastó la relación entre el número de bases ensambladas y genes de Uniprot encontrados. Tras elegir el transcriptoma que consideramos mejor para este trabajo, se hizo una búsqueda para genes implicados en la supervivencia de esta chinche, generando así conocimiento genético que resulta valioso para la futura investigación sobre este insecto plaga importante para la región.